

## NMR relaxatie

### T1 waarden

#### Thr-180

T (in s)	Intensiteit
0.100	124437.547
0.200	110772.172
0.200	112497.812
0.400	86470.203
0.700	63212.457
1.000	45471.023
1.000	46257.156
1.500	25936.275
2.000	16646.898

#### Asp-191

T (in s)	Intensiteit
0.100	181999.562
0.200	162508.938
0.200	164549.250
0.400	132495.531
0.700	97428.109
1.000	70145.023
1.000	71038.938
1.500	43123.883
2.000	26180.742

### T2 waarden

#### Thr-180

T (in ms)	Intensiteit
10.000	169161.031
10.000	175677.031
30.000	127344.352
50.000	93752.992
70.000	72376.258
90.000	49430.629
110.000	36061.797
130.000	27551.689
150.000	19270.779
170.000	13662.698

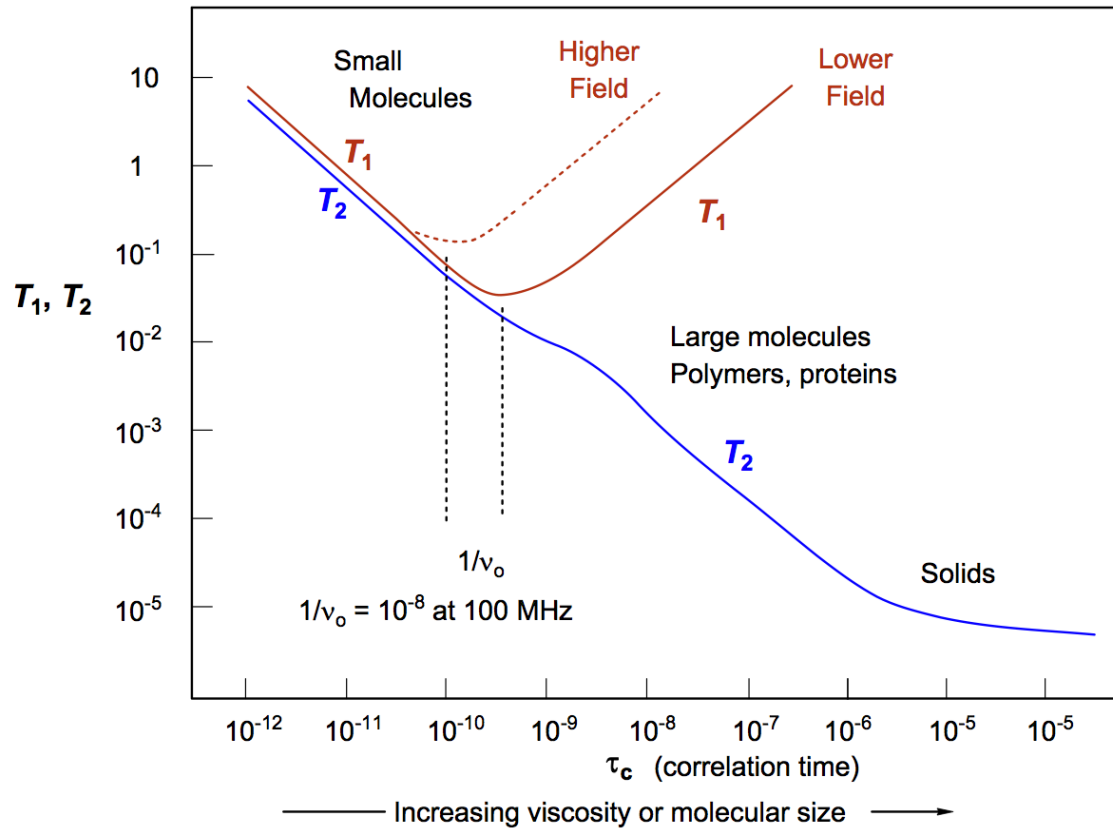
### Asp-191

T (in ms)	Intensiteit
10.000	190197.438
10.000	190497.656
30.000	136284.906
50.000	100808.359
70.000	72678.883
90.000	51849.840
110.000	38646.594
130.000	27634.389
150.000	16935.648
170.000	13891.145

### Tabel met rest waarden

	Leu-154 (free)	Thr-180 (free)	Asp-191 (free)	Arg-218 (free)	Leu-154 (bound)	Thr-180 (bound)	Asp-191 (bound)	Arg-218 (bound)
T <sub>1</sub>	1.142			0.826	1.156	1.060	1.008	0.889
T <sub>2</sub>	0.0915			0.0633	0.0848	0.0528	0.0556	0.0577
het. NOE	0.613	0.796	0.956	0.815	0.639	0.862	0.902	0.890

## Schatting van globale rotationele correlatietijd



## Vragen:

- Wat zijn de individuele verschillen voor elk residu binnen de vrije vorm?
- Wat gebeurt er met de dynamica van elk residu als het peptide bindt?
- Wat zijn de individuele verschillen voor elk residu binnen het peptide-eiwit complex?
- Wat is jouw interpretatie over de invloed van peptidebinding op de dynamische eigenschappen van het eiwit?